

Eline Biedermann (Autor)

Untersuchungen zur Charakterisierung von Prenyltransferasen aus Hypericum-Arten nach Expression in Nicotiana benthamiana



https://cuvillier.de/de/shop/publications/7653

Copyright:

Cuvillier Verlag, Inhaberin Annette Jentzsch-Cuvillier, Nonnenstieg 8, 37075 Göttingen, Germany

Telefon: +49 (0)551 54724-0, E-Mail: info@cuvillier.de, Website: https://cuvillier.de



Inhaltsverzeichnis

	dungsverzeichnislenverzeichnis	
	rzungsverzeichnis	
1.	Einleitung	1
1.1.	Bedeutung und Nutzung von sekundären Pflanzenstoffen	1
1.2.	Gewinnung von Wirkstoffen aus Arzneipflanzen	1
1.3.	Homologe und heterologe in vitro-Systeme zur Produktion von pflanzlichen Wirkstoffen	3
1.4. 1.4.1. 1.4.2.	Ansätze zur Gewinnung von Hyperforin	6 7
1.4.3.	Biosynthese von Hyperforin	8
1.5.	Prenylierende Enzyme in Pflanzen	9
1.6.	Ziel der Arbeit	14
2.	Material und Methoden	15
2.1.	Lösungen, Medien und Puffer	15
	Substrate für Enzymaktivitätstests	
2.1.2. 2.1.2.	·	
2.1.2.		
2.2.	Organismen	20
2.2.1.		
2.2.2.	Pflanzenmaterial	20
2.2.2.	1. Hypericum perforatum	20
2.2.2.	2. Zellsuspensionskultur von Hypericum calycinum	20
2.2.2.	3. Nicotiana benthamiana	20
2.3.	Vektoren und cDNAs	21
2.4.	Oligonukleotide	22
2.5.	Mikrobiologische Methoden	25
2.5.1.	Erzeugung kompetenter E. coli	25
2.5.2.	· ·	
2.5.3.		
2.5.4.	Transformation elektrokompetenter A. tumefaciens	26
2.5.5.	, ,	
2.5.6.		
2.5.7.	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
2.5.8.	Kryokonservierung von Bakterien	27
2.6.	Molekularbiologische Methoden	
2.6.1.		
2.6.1.		
2.6.1.		
2.6.2.		
2.6.3.		
2.6.4.	Reverse Transkription	28

2.6.5.	Polymerase-Kettenreaktion (PCR)	29
2.6.6.	Genexpressionsanalyse mittels quantitativer Real-Time-PCR (qPCR)	30
2.6.6.1.	Durchführung der qPCR	30
2.6.6.2.	Auswertung der qPCR	
2.6.7.	Klonierungstechniken	
2.6.7.1.	USER-Technik	
2.6.7.2.	Klonierung in pGEM-T-easy Vektor	
2.6.7.3.	Blau-Weiß-Selektion	
2.6.8.	Restriktionsverdau	
2.6.9.	Agarosegelelektrophorese	
2.6.10.	Aufreinigung von Produkten aus dem Agarosegel	
2.6.11.	Sequenzierung	
2.7. Bi	iochemische Methoden	
2.7.1.	Transiente Transformation von N. benthamiana	
2.7.2.	Chloroplasten-Isolation	
2.7.3.	Bestimmung der Proteinkonzentration	
2.7.4.	Nachweis der Prenyltransferase-Aktivität in vitro	
2.7.5.	Nachweis der Prenyltransferase-Aktivität in planta	35
2.8. K	onfokale Laser Scanning Mikroskopie	36
2.9. A	nalytische Methoden	36
2.9.1.	Gehaltsbestimmung von Hyperforin	36
2.9.2.	Massenspektrometrie	36
2.9.3.	Hochleistungsflüssigkeitschromatographie (HPLC)	37
2.10. Bi	ioinformatische Methoden	38
3. E i	rgebnisse	39
3.1. ld	entifizierung von cDNAs von Prenyltransferasen aus Hypericum-Arten	39
3.1.1.	Klonierung und Sequenzbestätigung der Prenyltransferasen	
3.1.2.	Datenbankinformationen und Strukturvorhersagen zu den	
	identifizierten Prenyltransferasen	40
3.1.3.	Erstellung von Expressionskonstrukten	44
3.2. S	ubzelluläre Lokalisation der Prenyltransferasen nach Expression in N. benthamiana	15
3.2.1.	Subzelluläre Lokalisation des YFP (Kontrolle)	
3.2.2.	Subzelluläre Lokalisation von HcPT-1 in Fusion mit YFP	
3.2.3.	Subzelluläre Lokalisation von HcPT-2 in Fusion mit YFP	
3.2.4.	Subzelluläre Lokalisation von HcPT-3 in Fusion mit YFP	
3.2.5.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-1A und HpPT-1B in Fusion mit YFP	
3.2.6.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-2 in Fusion mit YFP	
3.2.7.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-3 in Fusion mit YFP	
3.2.8.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-4 in Fusion mit YFP	53
3.2.9.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-5 in Fusion mit YFP	54
3.2.10.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-6 in Fusion mit YFP	55
3.2.11.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-7 in Fusion mit YFP	56
3.2.12.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-8A und HpPT-8B in Fusion mit YFP	
3.2.13.	Subzelluläre Lokalisation von HpPT-9A und HpPT-9B in Fusion mit YFP	59
	renyltransferase-Aktivität nach Expression von cDNAs aus Hypericum-Arten	
	N. benthamiana	61
3.3.1.	Auswahl eines geeigneten Protokolls zur Aufarbeitung von transformierten Blättern	_
	von N. benthamiana für in vitro-Enzymaktivitätstests	
3.3.2.	Funktionelle Expression der Prenyltransferasen in N. benthamiana	61

3.3.3.	In vitro-Enzymaktivität von HcPT-1	62
3.3.3.1.	HcPT-1 mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	62
3.3.3.2.	HcPT-1 mit 1,3,7-Trihydroxyxanthon und DMAPP	63
3.3.3.3.	HcPT-1 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	64
3.3.4.	In vitro-Enzymaktivität von HcPT-2	
3.3.4.1.	HcPT-2 mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	65
3.3.4.2.	HcPT-2 mit 1,3,7-Trihydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.4.3.	HcPT-2 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	67
3.3.5.	In vitro-Enzymaktivität von HcPT-3	
3.3.5.1.	HcPT-3 mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	
3.3.5.2.	HcPT-3 mit 1,3,7-Trihydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.5.3.	HcPT-3 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.5.4.	HcPT-3 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und GPP	
3.3.6.	In vitro-Enzymaktivität von HpPT-1A und HpPT-1B	
3.3.6.1.	HpPT-1A und HpPT-1B mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	
3.3.6.2.	HpPT-1A und HpPT-1B mit 1,3,7-Trihydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.6.3.	HpPT-1A und HpPT-1B mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.7.	In vitro-Enzymaktivität von HpPT-2	
3.3.7.1.	HpPT-2 mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	
3.3.7.2.	HpPT-2 mit 1,3,7-Trihydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.7.3.	HpPT-2 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.7.4.	HpPT-2 mit Phlorisobutyrophenon und GPP	
3.3.8.	In vitro-Enzymaktivität von HpPT-3	
3.3.8.1.	HpPT-3 mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	
3.3.8.2.	HpPT-3 mit 1,3,7-Trihydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.8.3.	HpPT-3 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.9.	In vitro-Enzymaktivität von HpPT-4	
3.3.9.1.	HpPT-4 mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	
3.3.9.2.	HpPT-4 mit 1,3,7-Trihydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.9.3.	HpPT-4 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.10.	In vitro-Enzymaktivität von HpPT-5	
3.3.10.1.	•	
3.3.10.2.	HpPT-5 mit 1,3,7-Trihydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.10.3.	HpPT-5 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.11.	In vitro-Enzymaktivität von HpPT-6	
3.3.11.1.		
3.3.11.2.		
3.3.11.3.	HpPT-6 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.11.4.	HpPT-6 mit Phlorisobutyrophenon und GPP	
3.3.12.	In vitro-Enzymaktivität von HpPT-7	
3.3.12.1.	HpPT-7 mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	
3.3.12.2.		
3.3.12.3. 3.3.13.	HpPT-7 mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP In vitro-Enzymaktivität von HpPT-8A und HpPT-8B	
3.3.13.1.	HpPT-8A und HpPT-8B mit Phlorisobutyrophenon und DMAPP	
3.3.13.1. 3.3.13.2.	HpPT-8A und HpPT-8B mit Phiorisoputyrophenon und DMAPP	
3.3.13.2. 3.3.13.3.	HpPT-8A und HpPT-8B mit 1,3,6,7-Tetrahydroxyxanthon und DMAPP	
3.3.14.	In vitro-Enzymaktivität von HpPT-9A und HpPT-9B	
3.3.14. 3.3.14.1.	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
3.3.14.1.		
3.3.14.3.		
U.U. I T.U.	THE TOTAL OF THE PERSON OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PROPERTY OF THE PERSON OF THE PERSO	

3.3.15	5. in vitro-Produktbildung bei Kombination von Prenyltransferasen	104
3.3.15		
	durch HpPT-2 und HpPT-6	104
3.3.15	5.2. Kombination von HcPT-1, HcPT-2, HcPT-3 aus <i>H. calycinum</i>	106
3.3.15	5.3. Kombination der neun Prenyltransferasen aus H. perforatum	109
3.3.16		
3.4.	Expressionsanalyse von Prenyltransferasen	113
3.4.1.		
3.4.2.		
3.5.	Hyperforingehalt in H. perforatum	118
4.	Diskussion	119
4.1.	Hypericum-Arten verfügen über eine Vielzahl an Prenyltransferase-Genen	119
4.2.	Prenyltransferasen aus <i>Hypericum</i> -Arten sind an der äußeren Chloroplastenmembran	
	lokalisiert.	120
4.3.	Zehn Prenyltransferasen aus <i>Hypericum</i> -Arten katalysieren die Prenylierung oder	
	Geranylierung von Phlorisobutyrophenon- oder Xanthonderivaten	122
4.4.	Erfolgt die Biosynthese von Hyperforin durch einen Enzymkomplex?	129
4.5.	Perspektiven	131
5.	Zusammenfassung	133
Litera	turverzeichnis	135
Anhai	ng	147
A1.	Vektorkarten	
A2.	Sequenzalignments	
A3.	Nachweis der Expressionskonstrukte in <i>A. tumefaciens</i>	
A4.	Betrachtung mehrerer Ebenen von Chloroplasten zur weiteren Untersuchung der	
	subzellulären Lokalisation der Prenyltransferasen	153
A5.	Kolokalisation zur weiteren Untersuchung der subzellulären Lokalisation	
	der Prenyltransferasen	153
A6.	In vitro-Enzymaktivität von HcPT-3 bei Vorliegen eines Strep-Tag- oder YFP-	
	Fusionsproteins	157
A7.	Code des Statistikpaketes R für den Boxplot zur Darstellung des Vergleiches der CT-Werte	
	der Referenzgene 18S-RNA, Aktin, Histon und Tubulin.	
A8.	Erzeugung stabiler Überexpressionslinien in Arabidopsis thaliana	160